



CATEGORIZACIÓN
de los mamíferos de
Argentina



Sociedad Argentina para el
Estudio de los Mamíferos



Ministerio de Ambiente
y Desarrollo Sostenible
Argentina

Calomys callosus

Laucha vespertina grande

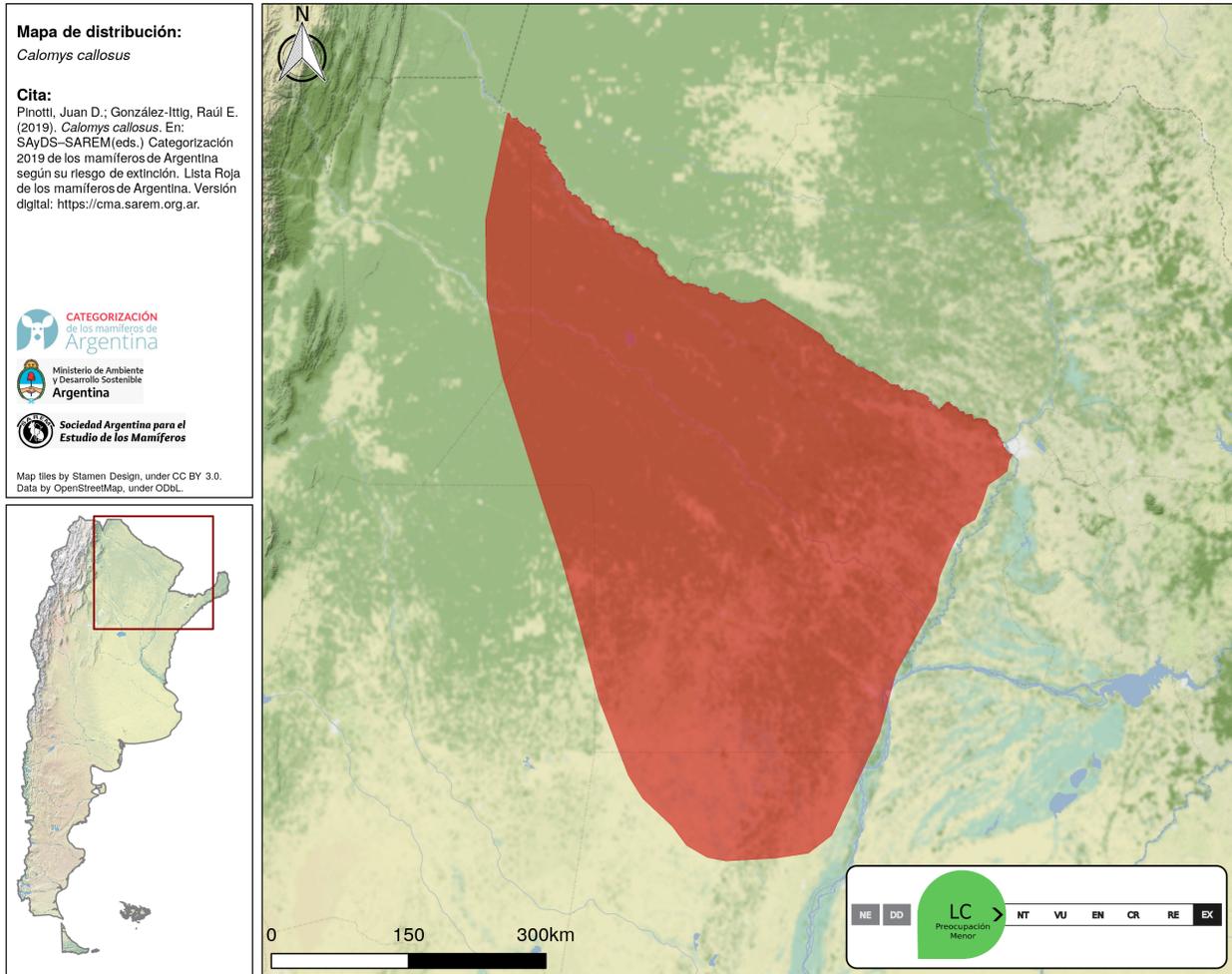
LC
Preocupación
Menor



Foto: Paulo Ricardo Roth

Cita sugerida: Pinotti, Juan D.; González-Ittig, Raúl E.. (2019). *Calomys callosus*. En: SAYDS–SAREM (eds.) Categorización 2019 de los mamíferos de Argentina según su riesgo de extinción. Lista Roja de los mamíferos de Argentina. <http://doi.org/10.31687/SaremLR.19.299>

ÁREA DE DISTRIBUCIÓN ACTUAL



CATEGORÍAS DE CONSERVACIÓN

Categoría Nacional de Conservación 2019

LC (Preocupación Menor)

Justificación de la categorización

Es una especie frecuente en su amplio rango de distribución. No posee amenazas significativas que pongan en riesgo su supervivencia en la vida silvestre, excepto por la destrucción de los ambientes en los que vive. Por lo tanto, esta especie debe ser incluida en la categoría de Preocupación Menor (LC).

Categoría Res. SAyDS 316/21

No amenazada

Categoría Res. SAyDS 1030/04

NA (No Amenazada)

Categorías nacionales de conservación previas (SAREM)

2012 LC (Preocupación Menor)

2000 LR lc (Riesgo Bajo, preocupación menor)

1997 RB pm (Riesgo Bajo, preocupación menor; LR lc)

Homologación categoría 1997 LC (Preocupación Menor)

Evaluación global UICN

Año de evaluación	Categoría
2016	LC (Preocupación Menor)

TAXONOMÍA Y NOMENCLATURA

Orden	Rodentia
Familia	Cricetidae
Nombre científico	<i>Calomys callosus</i> (Rengger, 1830)
Nombre común	Laucha vespertina grande
Nombres comunes locales	Laucha grande oriental
Nombres comunes en inglés	Large Vesper Mouse Big Laucha

Comentarios taxonómicos

Cabrera (1961) y Hershkovitz (1962) consideraron a esta especie como politípica. Sin embargo, en el esquema de esos autores, este taxón incluía varias formas nominales que actualmente son consideradas como especies plenas (por ejemplo *C. fecundus* y *C. expulsus*) (Salazar-Bravo 2015). *Calomys callosus* sensu stricto se ubica filogenéticamente en un clado que incluye a otras formas de tamaño grande; en Argentina se encuentran presentes 4 especies de dicho clado (*C. venustus*, *C. fecundus*, *C. callidus* y *C. callosus*) (Almeida et al. 2007).

INFORMACIÓN RELEVANTE PARA LA EVALUACIÓN

Tendencia poblacional actual: estable

A pesar de que no existen estudios poblacionales se estima que la tendencia de sus poblaciones es estable.

Tiempo generacional: 1.61 años

Tiempo generacional, justificación: Pacifici et al. (2013)

Variabilidad genética:

Estudios genéticos realizados en la especie indicarían que ésta no posee una estructura genética que la subdivida en clados o haplogrupos. Por otra parte, posee una variabilidad genética alta en relación a otras especies del clado de *Calomys* de cuerpo grande (como por ejemplo *C. venustus* y *C. callidus*) (Pinotti J. D., in litt.).

Extensión de presencia (EOO): 127624 km²

RANGO GEOGRÁFICO, OCURRENCIA Y ABUNDANCIA

Presencia en el territorio nacional: residente

Comentarios sobre la distribución actual e histórica

Esta especie se encuentra en el este de Bolivia, el noreste de Argentina (Chaco, Formosa), Paraguay y el centro-oeste de Brasil (véase Salazar-Bravo et al. (2002). En Argentina, está presente la región biogeográfica del Chaco tanto seco como húmedo. Dentro del Chaco puede habitar tanto bosques como enclaves herbáceos y campos antiguos y paisajes dominados por la agricultura (Myers 1982). Por ejemplo, Yahnke (2006) encontró la especie casi exclusivamente en hábitats agrícolas.

Presencia confirmada por provincia:	Chaco Formosa
Presencia en ecorregiones de Argentina:	Chaco Seco Chaco Húmedo
Presencia en ecorregiones globales terrestres:	ID569 – Chaco Seco ID571 – Chaco Húmedo

Patrón de distribución	Rango altitudinal
continuo	70-600 msnm

Endemismo especie no endémica

Abundancia relativa estimada en su área de ocupación frecuente

Comentarios sobre la abundancia, densidad o probabilidad de ocupación de la especie

Es una especie relativamente frecuente en su amplio rango de distribución. En el Chaco Seco se la encuentra en mayor densidad en lugares con cierta humedad. En la mayoría de los estudios para detectar roedores infectados con virus de Paraguay y Bolivia la encuentran en baja abundancia (Williams et al. 1997; Carroll et al. 2005; Padula et al. 2007; Chu et al. 2009), aunque Chu et al. (2003) tiene una buena captura de la especie en Paraguay.

¿Existen actualmente programas de monitoreo?: no

RASGOS ETO-ECOLÓGICOS

Hábitos: terrestres

Hábitos especializados: cursorial

Tipos de hábitat en donde la especie está presente

Terrestres

- **Selvas / Bosques:** hábitat óptimo
- **Arbustales:** hábitat óptimo
- **Pastizales:** hábitat óptimo

Antrópicos

- **Cultivos agrícolas:** hábitat subóptimo

Tolerancia a hábitats antropizados: media

Dieta: omnívoro

Dieta especializada: frugívoro, granívoro, insectívoro

Aspectos reproductivos

Yahnke (2006) encontró en ambientes agrícolas hembras preñadas que tenían un promedio de 6,25 embriones (N = 4, rango: 4–11) y fueron capturados en los meses de mayo, agosto y diciembre. Según Dunnum et al. (2016), en poblaciones del centro de Brasil, la especie tiene un período de gestación de 21,8 días (rango 20–23, n = 43), un tamaño de camada promedio 45 (rango 2–9, n = 13), y un peso neonatal promedio de 2,3 g (n = 42). Los jóvenes abren los ojos en el sexto o séptimo día, y la lactancia dura de quince a diecisiete días.

Patrón de actividad: nocturno

CONSERVACIÓN E INVESTIGACIÓN

Amenazas por grado: de 1 (menor) a 5 (mayor)

Pérdida de hábitat	3	Degradación de hábitat	3
---------------------------	---	-------------------------------	---

Es una especie que vive en el Chaco, el cual experimenta altos niveles de deforestación y modificación del ambiente debido a la expansión de la frontera agrícola. Si bien es una especie que se adaptaría a esta situación, no hay evaluaciones sobre cuál es su tolerancia a la pérdida de hábitat.

La especie ¿está presente en áreas naturales protegidas?: sí

Presencia de la especie en áreas naturales protegidas

La especie ha sido capturada en la Reserva el Bagual (Formosa).

Sería necesario realizar muestreos para comprobar la existencia de la especie, pero es muy probable que se encuentre en:

Parque Nacional Rio Pilcomayo (Formosa)

Reservas Natural Formosa (Formosa)

Área protegida Bañado La Estrella (Formosa)

Parque Nacional Chaco (Chaco)

Parque Nacional El Impenetrable (Chaco)

Reservas Natural Educativa Colonia Benítez (Chaco)

Parque Provincial Pampa del Indio (Chaco)

Parque Provincial Loro Hablador (Chaco)

Parque Nacional Copo (Santiago del Estero)

Aunque con menor probabilidad, también es posible su existencia en la

Reserva de la Defensa Campo Garabato (Santa Fe)

Experiencias de reintroducción o erradicación: no

Valorización socioeconómica de la especie:	importancia sanitaria
---	-----------------------

Es hospedador del genotipo Laguna Negra que produce el Síndrome Pulmonar por Hantavirus en Bolivia (Carroll et al. 2005). Es hospedador del mammarenavirus Latino (Cajimat et al. 2009).

Necesidades de investigación y conocimiento

No existen estudios a largo plazo que ayuden a comprender la dinámica poblacional y movimientos de la especie.

BIBLIOGRAFÍA

LITERATURA CITADA

ALMEIDA, F. C., C. R. BONVICINO, & P. CORDEIRO–ESTRELA. 2007. Phylogeny and temporal diversification of *Calomys* (Rodentia, Sigmodontinae): implications for the biogeography of an endemic genus of the open/dry biomes of South America. *Molecular Phylogenetics and Evolution* 42:449–466.

CABRERA, A. 1961. Catálogo de los mamíferos de América del Sur. Parte II. *Revista del Museo Argentino de Ciencias Naturales “Bernardino Rivadavia” Ciencias Zoológicas* 4:309–732.

CAJIMAT, M. N. B. 2009. Genetic diversity among Bolivian arenaviruses. *Virus Research* 140:24–31.

CARROLL, D. S. ET AL. 2005. Hantavirus Pulmonary Syndrome in central Bolivia: relationships between reservoir hosts, habitats, and viral genotypes. *The American Journal of Tropical Medicine and Hygiene* 72:42–46.

CHU, Y. K., D. GOODIN, R. D. OWEN, D. KOCH, & C. B. JONSSON. 2009. Sympatry of 2 Hantavirus Strains, Paraguay, 2003–2007. *Emerging Infectious Diseases* 15:1977–1980.

CHU, Y. K., R. D. OWEN, L. M. GONZALEZ, & C. B. JONSSON. 2003. The complex ecology of hantavirus in Paraguay. *The American Journal of Tropical Medicine and Hygiene* 69:263–268.

DUNNUM, J., J. VARGAS, N. BERNAL, G. D’ELIA, U. F. J. PARDINAS, & P. TETA. 2016. *Calomys callosus* (errata version published in 2017). The IUCN Red List of Threatened Species:e.T3611A115065498.

HERSHKOVITZ, P. 1962. Evolution of Neotropical cricetine rodents (Muridae) with special reference to the phyllotine group. *Fieldiana Zoology* 46:1–524.

MYERS, P. 1982. Origins and affinities of the mammal fauna of Paraguay. *Mammalian biology in South America* (M. A. Mares & H. H. Genoways, eds.). The Pymatuning Symposia in Ecology 6, Special Publications Series, Pymatuning Laboratory of Ecology, University of Pittsburgh.

PACIFICI, M. ET AL. 2013. Generation length for mammals. *Nature Conservation* 5:8–94.

PADULA, P. ET AL. 2007. Pathogenic hantaviruses, north–eastern Argentina and eastern Paraguay. *Emerging Infectious Diseases* 13: 1211–1214.

SALAZAR-BRAVO, J. 2015. Genus *Calomys* Waterhouse, 1837. *Mammals of South America, volume 2: rodents* (J. M. Patton, G. D’Elía & U. F. J. Pardiñas, eds.). University of Chicago Press, Chicago.

SALAZAR–BRAVO, J., J. W. DRAGOO, M. D. BOWEN, C. J. PETERS, T. G. KSIAZEK, & T. L. YATES. 2002. Natural nidality in Bolivian hemorrhagic fever and the systematics of the reservoir species. *Infection, Genetics and Evolution* 1:191–199.

WILLIAMS, R. J. ET AL. 1997. An outbreak of Hantavirus Pulmonary Syndrome in western Paraguay. *The American Journal of Tropical Medicine and Hygiene* 57:274–282

YAHNKE, C. J. 2006. Habitat use and natural history of small mammals in the central Paraguayan Chaco. *Mastozoología Neotropical* 13:103–116.

LITERATURA DE REFERENCIA

SALAZAR-BRAVO, J., J. W. DRAGOO, D. S. TINNIN, & T. L. YATES. 2001. Phylogeny and evolution of the Neotropical Rodent genus *Calomys* : inferences from mitochondrial DNA sequence data. *Molecular Phylogenetics and Evolution* 20:173–184.

AUTORES Y COLABORADORES

AUTORES

Pinotti, Juan D.

Instituto de Diversidad y Ecología Animal (IDEA),
CONICET-Universidad Nacional de Córdoba, Córdoba,
Argentina

González-Ittig, Raúl E.

Instituto de Diversidad y Ecología Animal (IDEA),
CONICET-Universidad Nacional de Córdoba, Córdoba,
Argentina